

راهنمای کیت BRAF RQ

کیت BRAF RQ جهت بررسی جهش در کدون ۶۰۰ انکوژن BRAF در DNA انسانی با استفاده از دستگاه Real-Time PCR طراحی شده است. این کیت مخصوص مصارف تحقیقاتی است.

توجه: لطفا پیش از استفاده از این راهنما، دفترچه ی کیت به دقت مطالعه شود.

این راهنمای خلاصه، جایگزینی برای دفترچه کیت نخواهد بود.

برچسب	محتوا	تعداد	حجم
BRAF Ctrl Mix	میکس PCR برای کنترل کیفی DNA	۲	۴۸۰ میکرولیتر
V600E Mix	میکس PCR برای بررسی جهش V600E	۱	۴۸۰ میکرولیتر
V600Ec Mix	میکس PCR برای بررسی جهش V600Ec	۱	۴۸۰ میکرولیتر
V600D Mix	میکس PCR برای بررسی جهش V600D	۱	۴۸۰ میکرولیتر
V600K Mix	میکس PCR برای بررسی جهش V600K	۱	۴۸۰ میکرولیتر
V600R Mix	میکس PCR برای بررسی جهش V600R	۱	۴۸۰ میکرولیتر
BRAF Pos	شاهد مثبت	۱	۲۵۰ میکرولیتر
BRAF Neg	شاهد منفی	۱	۲۵۰ میکرولیتر
Water	آب مخصوص PCR	۱	۲۰۰ میکرولیتر

محتویات کیت: این کیت شامل یک دفترچه راهنما و موارد زیر می باشد:

تمامی مواد کیت باید در دمای ۲۰ درجه زیر صفر حمل و نگهداری شوند.

روش کار: پیش از بررسی نمونه برای وجود جهش های BRAF، ابتدا باید از کیفیت DNA استخراج شده از نمونه بیمار اطمینان یافت و در صورتی که نتایج در محدوده مطلوب باشد آنگاه، آزمایش دوم که بررسی جهش های ژن BRAF می باشد انجام خواهد شد.

بررسی کیفیت DNA نمونه: تعداد مورد نیاز میکروتیوب را بر روی بلوک سرد بگذارید. در این سری، علاوه بر یک میکروتیوب برای نمونه هر بیمار، دو میکروتیوب دیگر برای شاهد منفی و نمونه آب در نظر بگیرید.

به هر میکروتیوب، ابتدا ۲۰ میکرولیتر از **Ctrl Mix** و سپس ۵ میکرولیتر از **DNA نمونه، شاهد منفی و آب اضافه کنید** و درپوش میکروتیوب ها را ببندید. سپس آن ها را مطابق شماره ها داخل دستگاه قرار دهید.

تنظیم دستگاه: برای تنظیم دستگاه Real-Time PCR می توانید دستگاه را مطابق برنامه زیر تنظیم نمایید. در صورتی که از دستگاه Rotor-Gene و یا StepOne استفاده می کنید، می توانید از فایل تمپلیت در لوح فشرده همراه کیت استفاده نمایید.

Step	Temperature and time	Cycles
1	95°C x 3 min	1
2	95°C x 15 sec	45
	60°C x 60 sec	

اندازه گیری تابش فلورسانس باید در دمای ۶۰ درجه و در کانال های سبز (FAM) و زرد (VIC) تنظیم شود. میکس های کیت حاوی ROX می باشند. غلظت نهایی ROX در واکنش 300 nM می باشد.

آنالیز نتایج بررسی کیفیت DNA نمونه: تحلیل نتایج آزمایش کنترل کیفیت DNA بیمار در دو مرحله انجام می شود. در مرحله نخست باید اطمینان یافت که آزمایش از نظر کیفی به نحو مطلوب انجام شده است و سپس می توان نتایج نمونه بیمار را آنالیز نمود.

در نظر داشته باشید نمونه استخراج شده باید حاوی ۱۰ الی ۵۰ نانوگرم DNA در هر میکرولیتر باشد.

الف- بررسی شاهد منفی: توجه داشته باشید نمونه بیمار تنها زمانی قابل بررسی خواهد بود که نمونه ها دارای شرایط مندرج در جدول ابتدای صفحه ۳ باشند. در غیر این صورت، آزمایش غیر معتبر بوده و کلیه نتایج فاقد ارزش می باشد.

VIC/Yellow	FAM/Green	نمونه
Pos (CT 27-33)	Neg	آب
Pos (CT 27-33)	Pos (CT 23-28)	شاهد منفی

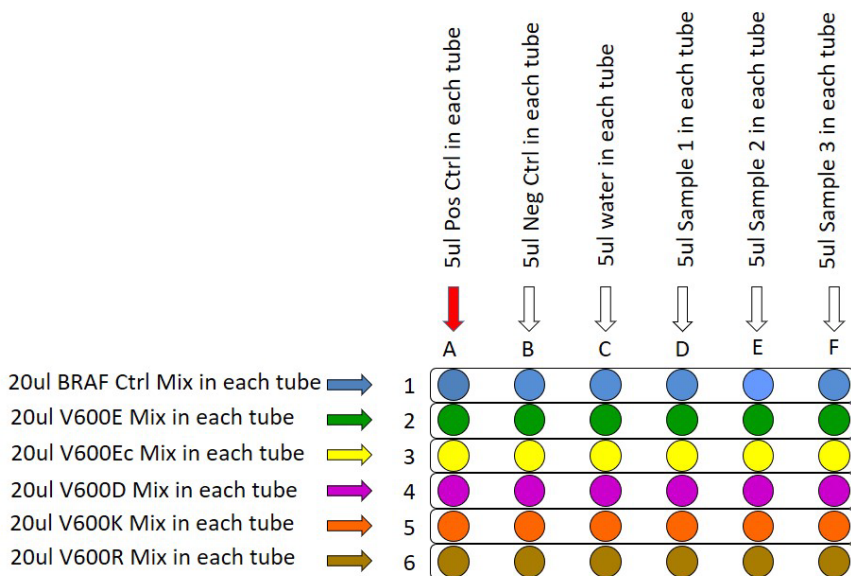
ب- بررسی نمونه بیمار: در صورتی که کیفیت نمونه مورد تایید باشد، آنگاه مطابق جدول زیر، نتایج را تفسیر کنید:

	FAM/Green	VIC/Yellow	Result
1	+ CT: 22-30	+ CT: 27-33	Valid
2	+ CT<22	+ CT: 27-33	Sample dilution
3	- CT>30	+ CT>33	Invalid

پس از بررسی کیفیت DNA نمونه و تحلیل داده ها و در موارد لازم، اعمال تغییر در غلظت نمونه ها، بررسی جهش های BRAF انجام می شود.

بررسی جهش های BRAF: برای بررسی جهش های BRAF، هر نمونه باید با شش میکس آزمایش شود. در این آزمایش پنج جهش ژن BRAF شامل V600E/Ec/D/K/R هر کدام در یک میکروتیوب جداگانه با یکی از میکس های BRAF بررسی می شوند. علاوه بر پنج میکروتیوب مذکور، یک میکروتیوب نیز به بررسی نمونه با میکس کنترل اختصاص می یابد. تصویر زیر نحوه چیدمان برای بررسی چهار نمونه بیمار را نشان می دهد.

NG-WI-ASL-40-102-S



به هر یک از میکروتیوب‌های ردیف اول ۲۰ میکرولیتر از **BRAF Ctrl Mix** اضافه کنید.

به هر یک از میکروتیوب‌های ردیف دوم ۲۰ میکرولیتر از **V600E Mix** اضافه کنید.

به هر یک از میکروتیوب‌های ردیف سوم ۲۰ میکرولیتر از **V600Ec Mix** اضافه کنید.

به هر یک از میکروتیوب‌های ردیف چهارم ۲۰ میکرولیتر از **V600D Mix** اضافه کنید.

به هر یک از میکروتیوب‌های ردیف پنجم ۲۰ میکرولیتر از **V600K Mix** اضافه کنید.

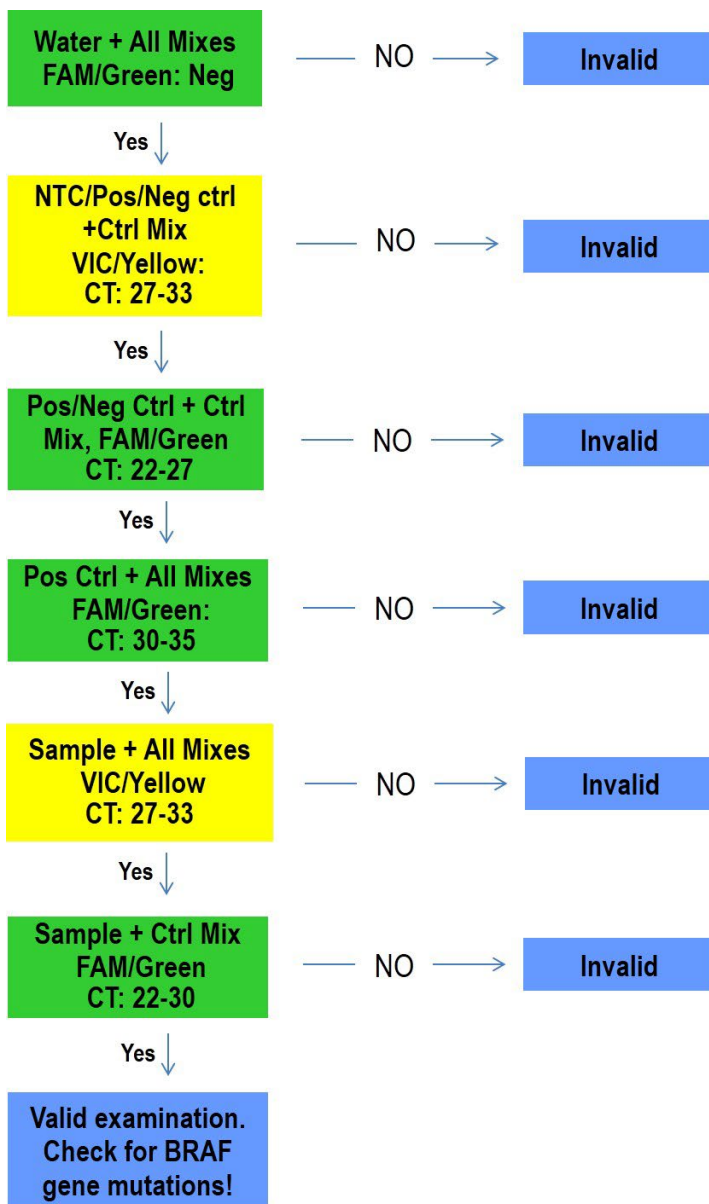
به هر یک از میکروتیوب‌های ردیف ششم ۲۰ میکرولیتر از **V600R Mix** اضافه کنید.

سپس ۵ میکرولیتر از DNA استخراج شده، **شاهد** یا آب به هر میکروتیوب اضافه کنید. به این منظور ستون اول را برای شاهد مثبت، ستون دوم و سوم را برای شاهد منفی و آب و ستون های بعدی را برای نمونه های بیماران در نظر بگیرید.

درپوش میکروتیوب ها را ببندید، سپس آن ها را مطابق شماره ها داخل دستگاه قرار دهید. دستگاه را مطابق جدول در قسمت "تنظیم دستگاه" تنظیم نمایید.

آنالیز نتایج برای جهش های BRAF: تحلیل نتایج آزمایش جهش های BRAF در دو مرحله انجام می شود.

الف - کنترل کیفی آزمایش: ابتدا آزمایش به لحاظ کیفی مطابق نمودار زیر ارزیابی می شود. سپس می توان نتایج نمونه ی بیمار را تفسیر کرد.



ب- تحلیل نتایج بررسی جهش های **BRAF**: برای نمونه هایی که CT آنها با میکس اختصاصی در کانال سبز بین ۲۰ تا ۴۰ باشد، با توجه به معادله زیر، میزان ΔCT را محاسبه کرده و نتایج CT و ΔCT را با جدول زیر مقایسه نمایید.

$$\Delta CT = \text{Mutation Mix CT} - \text{Control Mix CT}$$

در صورتی که نمونه در محدوده قابل قبول باشد دارای جهش و مثبت است.
نکته: در صورتی که یک نمونه برای بیش از یک میکس BARF دارای ΔCT قابل قبول باشد، نمونه در واکنشی که کوچک ترین ΔCT را دارد مثبت است و برای سایر جهش ها منفی خواهد بود.

نتیجه گیری	ΔCT نمونه	CT نمونه	میکس BRAF
برای جهش V600E منفی	-	>۴۰	V600E Mix
برای جهش V600E منفی	>۷/۳	۴۰-۲۰	
برای جهش V600E یا V600K مثبت	≤۷/۳	۴۰-۲۰	
برای جهش V600Ec منفی	-	>۴۰	V600Ec Mix
برای جهش V600Ec منفی	>۱۰/۶	۴۰-۲۰	
برای جهش V600Ec مثبت	≤۱۰/۶	۴۰-۲۰	
برای جهش V600D منفی	-	>۴۰	V600D Mix
برای جهش V600D منفی	>۹/۶	۴۰-۲۰	
برای جهش V600D مثبت	≤۹/۶	۴۰-۲۰	
برای جهش V600K منفی	-	>۴۰	V600K Mix
برای جهش V600K منفی	>۹	۴۰-۲۰	
برای جهش V600K مثبت	≤۹	۴۰-۲۰	
برای جهش V600R منفی	-	>۴۰	V600R Mix
برای جهش V600R منفی	>۸/۳	۴۰-۲۰	
برای جهش V600R مثبت	≤۸/۳	۴۰-۲۰	

میزان حساسیت: حساسیت تشخیصی این کیت در صورتی که CT نمونه در کانال سبز با میکس کنترل بین ۲۲ تا ۲۷ باشد بین ۱ تا ۲ درصد می باشد.

توضیحات برچسب:

دستورالعمل برای استفاده را بررسی نمایید		تولید کننده		جهت مصارف پژوهشی	RUO
تاریخ انقضاء		تعداد <n> آزمون کافی		کدبهر (شماره بچ)	LOT
محدوده دمایی	 10°C -30°C	شماره سریال	SN	شماره کاتالوگ	REF

جهت توضیحات بیشتر در مورد کیت های نوین ژن، دریافت فایل کامل دفترچه راهنمای کیت و فایل تمپلیت برای تنظیم دستگاه و آشنایی با نمایندگان فروش، به وبسایت ما به نشانی www.novingene.com مراجعه فرمایید یا QR Code موجود بر روی جعبه کیت را اسکن نمایید. جهت کسب اطلاعات بیشتر با پشتیبانی فنی تماس بگیرید.